

KISS Krankenhaus-Infektions-Surveillance-System



Infektionssurveillance im Modul ITS-KISS Referenzdaten

Berechnungszeitraum: Januar 2017 bis Dezember 2017
Erstellungsdatum: 4.April 2018

Nationales Referenzzentrum
für Surveillance
von nosokomialen Infektionen
Hindenburgdamm 27
12203 Berlin
Tel.: 030 / 8445 3680
Fax: 030 / 8445 3682
www.nrz-hygiene.de
Version: 4.April 2018

Referenzdaten - Device-Anwendungsraten und Device-assoziierte Infektionsraten

| | | | | | |
|--------------------------|--------------------|------------------------------|---------|-----------------------------|------|
| Art der Station: | CHIRURGISCH | Anzahl Patienten: | 122.663 | Mittlere Liegedauer: | 4,25 |
| Anzahl Stationen: | 132 | Anzahl Patiententage: | 521.569 | | |

Tabelle 1.1: Device-Anwendungsraten über alle Stationen dieser Art (Elemente mit weniger als 5 Stationen werden nicht angezeigt)

| Device | Anzahl Stationen | Anzahl Patiententage | Anzahl Devicetage | Device-Anwendungsrate | | | |
|-----------------------|------------------|----------------------|-------------------|------------------------------|------------------|--------|------------------|
| | | | | gepoolter arithm. Mittelwert | 25%-Quantil (Q1) | Median | 75%-Quantil (Q3) |
| HWK | 132 | 521.569 | 461.715 | 88,52 | 84,06 | 89,93 | 94,63 |
| ZVK | 132 | 521.569 | 396.119 | 75,95 | 62,72 | 78,25 | 89,47 |
| Beatmung INV | 132 | 521.569 | 227.442 | 43,61 | 28,50 | 42,60 | 52,72 |
| Beatmung NIV (a) | 40 | 151.953 | 17.208 | 11,32 | 3,21 | 6,99 | 14,98 |
| Ventrikeldrainage (a) | 24 | 113.548 | 10.246 | 9,02 | 4,44 | 6,28 | 9,97 |
| ECLS (a) | 13 | 48.321 | 3.996 | 8,27 | 2,73 | 4,42 | 5,29 |

Tabelle 1.2: Umfang der Blutkulturdiagnostik über alle Stationen dieser Art, nur Stationen, die mindestens einmalig im Zeitraum Angaben zu Blutkulturen gemacht haben

| Anzahl Stationen | Anzahl Patiententage | Anzahl Blutkulturen | Blutkultur-Abnahmefrequenz (Anz. Blutkulturen / 1000 Patiententage) | | | |
|------------------|----------------------|---------------------|---|------------------|--------|------------------|
| | | | gepoolter arithm. Mittelwert | 25%-Quantil (Q1) | Median | 75%-Quantil (Q3) |
| 79 | 354.047 | 53.254 | 150,42 | 94,86 | 121,85 | 166,02 |

Tabelle 2: Device-assoziierte Infektionsraten über alle Stationen dieser Art (Elemente mit weniger als 5 Stationen werden nicht angezeigt)

| Art der Infektion | Anzahl Stationen | Anzahl Device-ass. Infektionen | Device-assoziierte Infektionsrate | | | |
|--|------------------|--------------------------------|-----------------------------------|------------------|--------|------------------|
| | | | gepoolter arithm. Mittelwert | 25%-Quantil (Q1) | Median | 75%-Quantil (Q3) |
| HWK-assoziierte Harnwegsinfektion | 132 | 625 | 1,35 | 0,00 | 0,58 | 1,74 |
| ZVK-assoziierte Sepsis (nur B1, B2) | 132 | 406 | 1,02 | 0,00 | 0,76 | 1,47 |
| INV-assoz. Atemwegsinfektion | 132 | 959 | 4,22 | 1,01 | 3,26 | 6,34 |
| -INV-assoz. Pneumonie | 132 | 784 | 3,45 | 0,62 | 2,69 | 5,26 |
| -INV-assoz. Bronchitis | 132 | 175 | 0,77 | 0,00 | 0,00 | 0,71 |
| NIV-assoz. Atemwegsinfektion (a) | 40 | 17 | 0,99 | 0,00 | 0,00 | 0,00 |
| -NIV-assoz. Pneumonie (a) | 40 | 17 | 0,99 | 0,00 | 0,00 | 0,00 |
| -NIV-assoz. Bronchitis (a) | 40 | 0 | 0,00 | 0,00 | 0,00 | 0,00 |
| Ventrikeldrainage-assoziierte Meningitis (a) | 24 | 18 | 1,76 | 0,00 | 0,00 | 2,03 |
| ECLS-assoziierte Sepsis (nur B1, B2) (a) | 13 | 2 | 0,50 | 0,00 | 0,00 | 0,00 |

(a) - als optionale Surveillancekomponente

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: CHIRURGISCH)

| | |
|---|-----------------------------------|
| Art der Infektion | HWK-assoziierte Harnwegsinfektion |
| Anzahl Infektionen insgesamt | 625 |
| Anzahl Infektionen mit Erregerangabe | 625 |
| Erregerangaben im Rahmen von Infektionen | 710 |

Tabelle 3.1.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

| | Anzahl | Pro 100 Infektionen |
|-----------------------------|--------|---------------------|
| Erregergruppe | | |
| Bacterium | 625 | 100,00 |
| Gram-Charakteristika | | |
| Gram-positive | 138 | 22,08 |
| Gram-negative | 519 | 83,04 |
| MRE | | |
| MRSA | 1 | 0,16 |
| VRE | 9 | 1,44 |
| 3MRGN | 33 | 5,28 |
| 4MRGN | 10 | 1,60 |

Tabelle 3.1.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

| Erreger | Anzahl | Pro 100 Infektionen |
|----------------------------------|--------|---------------------|
| Escherichia spp. | 238 | 38,08 |
| - davon Escherichia coli | 237 | 37,92 |
| -- davon 3MRGN | 21 | 3,36 |
| - davon andere Escherichia spp.* | 1 | 0,16 |
| Enterococcus spp. | 128 | 20,48 |
| - davon Enterococcus faecalis | 68 | 10,88 |
| -- davon VRE | 1 | 0,16 |
| - davon Enterococcus faecium | 60 | 9,60 |
| -- davon VRE | 8 | 1,28 |
| - davon Enterococcus gallinarum | 1 | 0,16 |
| Pseudomonas spp. | 99 | 15,84 |
| - davon Pseudomonas aeruginosa | 99 | 15,84 |
| -- davon 3MRGN | 4 | 0,64 |
| -- davon 4MRGN | 3 | 0,48 |
| Klebsiella spp. | 89 | 14,24 |
| - davon Klebsiella pneumoniae | 64 | 10,24 |
| -- davon 3MRGN | 7 | 1,12 |
| -- davon 4MRGN | 6 | 0,96 |
| - davon Klebsiella oxytoca | 23 | 3,68 |
| - davon andere Klebsiella spp.* | 2 | 0,32 |
| Proteus spp. | 54 | 8,64 |
| - davon Proteus mirabilis | 48 | 7,68 |
| - davon Proteus vulgaris | 4 | 0,64 |
| - davon andere Proteus spp.* | 2 | 0,32 |

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: CHIRURGISCH)

| | |
|---|-------------------------------------|
| Art der Infektion | ZVK-assoziierte Sepsis (nur B1, B2) |
| Anzahl Infektionen insgesamt | 406 |
| Anzahl Infektionen mit Erregerangabe | 406 |
| Erregerangaben im Rahmen von Infektionen | 430 |

Tabelle 3.2.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

| | Anzahl | Pro 100 Infektionen |
|-----------------------------|--------|---------------------|
| Erregergruppe | | |
| Bacterium | 386 | 95,07 |
| Fungus | 22 | 5,42 |
| Gram-Charakteristika | | |
| Gram-positive | 281 | 69,21 |
| Gram-negative | 110 | 27,09 |
| MRE | | |
| MRSA | 6 | 1,48 |
| VRE | 11 | 2,71 |
| 3MRGN | 8 | 1,97 |
| 4MRGN | 4 | 0,99 |
| Kommensale | 157 | 38,67 |

Tabelle 3.2.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

| Erreger | Anzahl | Pro 100 Infektionen |
|-------------------------------------|--------|---------------------|
| Staphylococcus spp. | 190 | 46,80 |
| - davon Staphylococcus epidermidis | 106 | 26,11 |
| - davon Staphylococcus aureus | 41 | 10,10 |
| -- davon MRSA | 6 | 1,48 |
| - davon Staphylococcus haemolyticus | 14 | 3,45 |
| - davon Staphylococcus hominis | 10 | 2,46 |
| - davon andere Staphylococcus spp.* | 19 | 4,68 |
| Enterococcus spp. | 78 | 19,21 |
| - davon Enterococcus faecium | 46 | 11,33 |
| -- davon VRE | 9 | 2,22 |
| - davon Enterococcus faecalis | 32 | 7,88 |
| -- davon VRE | 2 | 0,49 |
| Klebsiella spp. | 27 | 6,65 |
| - davon Klebsiella pneumoniae | 19 | 4,68 |
| -- davon 4MRGN | 4 | 0,99 |
| -- davon 3MRGN | 1 | 0,25 |
| - davon Klebsiella oxytoca | 6 | 1,48 |
| - davon andere Klebsiella spp.* | 2 | 0,49 |
| Candida spp. | 22 | 5,42 |
| - davon Candida albicans | 14 | 3,45 |
| - davon Candida parapsilosis | 3 | 0,74 |
| - davon Candida glabrata | 3 | 0,74 |
| - davon Candida pelliculosa | 1 | 0,25 |
| - davon andere Candida spp.* | 1 | 0,25 |
| Escherichia spp. | 20 | 4,93 |
| - davon Escherichia coli | 20 | 4,93 |
| -- davon 3MRGN | 3 | 0,74 |



KISS Krankenhaus-Infektions-Surveillance-System
Infektionssurveillance im Modul ITS-KISS
Berechnungszeitraum: Januar 2017 bis Dezember 2017

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: CHIRURGISCH)

| | |
|---|------------------------------|
| Art der Infektion | INV-assoz. Atemwegsinfektion |
| Anzahl Infektionen insgesamt | 959 |
| Anzahl Infektionen mit Erregerangabe | 836 |
| Erregerangaben im Rahmen von Infektionen | 1077 |

Tabelle 3.3.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

| | Anzahl | Pro 100 Infektionen |
|-----------------------------|--------|---------------------|
| Erregergruppe | | |
| Bacterium | 819 | 85,40 |
| Fungus | 49 | 5,11 |
| Virus | 1 | 0,10 |
| Gram-Charakteristika | | |
| Gram-positive | 211 | 22,00 |
| Gram-negative | 682 | 71,12 |
| MRE | | |
| MRSA | 34 | 3,55 |
| VRE | 0 | 0,00 |
| 3MRGN | 61 | 6,36 |
| 4MRGN | 17 | 1,77 |

Tabelle 3.3.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

| Erreger | Anzahl | Pro 100 Infektionen |
|-------------------------------------|--------|---------------------|
| Staphylococcus spp. | 182 | 18,98 |
| - davon Staphylococcus aureus | 173 | 18,04 |
| -- davon MRSA | 34 | 3,55 |
| - davon Staphylococcus capitis | 2 | 0,21 |
| - davon Staphylococcus epidermidis | 1 | 0,10 |
| - davon Staphylococcus haemolyticus | 1 | 0,10 |
| - davon andere Staphylococcus spp.* | 5 | 0,52 |
| Klebsiella spp. | 169 | 17,62 |
| - davon Klebsiella pneumoniae | 118 | 12,30 |
| -- davon 3MRGN | 18 | 1,88 |
| -- davon 4MRGN | 4 | 0,42 |
| - davon Klebsiella oxytoca | 47 | 4,90 |
| -- davon 3MRGN | 1 | 0,10 |
| - davon andere Klebsiella spp.* | 4 | 0,42 |
| Pseudomonas spp. | 147 | 15,33 |
| - davon Pseudomonas aeruginosa | 143 | 14,91 |
| -- davon 3MRGN | 23 | 2,40 |
| -- davon 4MRGN | 12 | 1,25 |
| - davon Pseudomonas putida | 1 | 0,10 |
| - davon andere Pseudomonas spp.* | 3 | 0,31 |
| Escherichia spp. | 132 | 13,76 |
| - davon Escherichia coli | 130 | 13,56 |
| -- davon 3MRGN | 12 | 1,25 |
| - davon andere Escherichia spp.* | 2 | 0,21 |
| Serratia spp. | 87 | 9,07 |
| - davon Serratia marcescens | 80 | 8,34 |
| - davon Serratia liquefaciens | 1 | 0,10 |



KISS Krankenhaus-Infektions-Surveillance-System
Infektionssurveillance im Modul ITS-KISS
Berechnungszeitraum: Januar 2017 bis Dezember 2017

| Erreger | Anzahl | Pro 100 Infektionen |
|--------------------------------------|---------------|----------------------------|
| - davon <i>Serratia plymuthica</i> | 1 | 0,10 |
| - davon <i>Serratia rubidaea</i> | 1 | 0,10 |
| - davon andere <i>Serratia</i> spp.* | 4 | 0,42 |

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus