

KISS Krankenhaus-Infektions-Surveillance-System



Infektionssurveillance im Modul ITS-KISS Referenzdaten

Berechnungszeitraum: Januar 2017 bis Dezember 2019
Erstellungsdatum: 2.März 2020

Nationales Referenzzentrum
für Surveillance
von nosokomialen Infektionen
Hindenburgdamm 27
12203 Berlin
Tel.: 030 / 450-577-612
Fax: 030 / 450-577-920
www.nrz-hygiene.de
Version: 2.März 2020

Referenzdaten - Device-Anwendungsraten und Device-assoziierte Infektionsraten

Art der Station: WEANING	Anzahl Patienten: 10.940	Mittlere Liegedauer: 17,57
Anzahl Stationen: 20	Anzahl Patiententage: 192.217	

Tabelle 1.1: Device-Anwendungsraten über alle Stationen dieser Art (Elemente mit weniger als 5 Stationen werden nicht angezeigt)

Device	Anzahl Stationen	Anzahl Patiententage	Anzahl Devicetage	Device-Anwendungsrate			
				gepoolter arithm. Mittelwert	25%-Quantil (Q1)	Median	75%-Quantil (Q3)
HWK	20	192.217	153.041	79,62	77,09	87,17	91,40
ZVK	20	192.217	83.655	43,52	28,09	38,61	54,54
Beatmung INV	20	192.217	117.600	61,18	50,69	68,95	77,70
Beatmung NIV (a)	13	91.748	11.863	12,93	8,58	13,19	20,42
Ventrikeldrainage (a)	(b)						
ECLS (a)	(b)						

Tabelle 1.2: Umfang der Blutkulturdiagnostik über alle Stationen dieser Art, nur Stationen, die mindestens einmalig im Zeitraum Angaben zu Blutkulturen gemacht haben

Anzahl Stationen	Anzahl Patiententage	Anzahl Blutkulturen	Blutkultur-Abnahmefrequenz (Anz. Blutkulturen / 1000 Patiententage)			
			gepoolter arithm. Mittelwert	25%-Quantil (Q1)	Median	75%-Quantil (Q3)
18	150.404	13.419	89,22	43,67	78,49	127,84

Tabelle 2: Device-assoziierte Infektionsraten über alle Stationen dieser Art (Elemente mit weniger als 5 Stationen werden nicht angezeigt)

Art der Infektion	Anzahl Stationen	Anzahl Device-ass. Infektionen	Device-assoziierte Infektionsrate			
			gepoolter arithm. Mittelwert	25%-Quantil (Q1)	Median	75%-Quantil (Q3)
HWK-assoziierte Harnwegsinfektion	20	235	1,54	0,60	1,32	2,65
ZVK-assoziierte Sepsis (nur B1, B2)	20	199	2,38	1,17	2,35	3,58
INV-assoz. Atemwegsinfektion	20	343	2,92	1,19	1,92	3,90
-INV-assoz. Pneumonie	20	206	1,75	0,35	1,09	2,80
-INV-assoz. Bronchitis	20	137	1,16	0,00	0,65	1,39
NIV-assoz. Atemwegsinfektion (a)	13	14	1,18	0,00	0,00	1,74
-NIV-assoz. Pneumonie (a)	13	13	1,10	0,00	0,00	1,74
-NIV-assoz. Bronchitis (a)	13	1	0,08	0,00	0,00	0,00
Ventrikeldrainage-assoziierte Meningitis (a)	(b)					
ECLS-assoziierte Sepsis (nur B1, B2) (a)	(b)					

(a) - als optionale Surveillancekomponente

(b) - Datenmenge noch unzureichend

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: WEANING)

Art der Infektion	HWK-assoziierte Harnwegsinfektion
Anzahl Infektionen insgesamt	235
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	235
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	273

Tabelle 3.1.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Erregergruppe		
Bacterium	235	100,00
Gram-Charakteristika		
Gram-positive	60	25,53
Gram-negative	191	81,28
MRE		
MRSA	2	0,85
VRE	11	4,68
3MRGN	19	8,09
4MRGN	4	1,70

Tabelle 3.1.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Escherichia spp.	58	24,68
- davon Escherichia coli	58	24,68
-- davon 3MRGN	9	3,83
Enterococcus spp.	55	23,40
- davon Enterococcus faecalis	26	11,06
- davon Enterococcus faecium	24	10,21
-- davon VRE	11	4,68
- davon andere Enterococcus spp.*	5	2,13
Pseudomonas spp.	53	22,55
- davon Pseudomonas aeruginosa	52	22,13
-- davon 3MRGN	4	1,70
-- davon 4MRGN	3	1,28
- davon Pseudomonas fluorescens	1	0,43
Klebsiella spp.	43	18,30
- davon Klebsiella pneumoniae	32	13,62
-- davon 3MRGN	5	2,13
- davon Klebsiella oxytoca	10	4,26
- davon andere Klebsiella spp.*	1	0,43
Proteus spp.	29	12,34
- davon Proteus mirabilis	26	11,06
- davon Proteus penneri	1	0,43
- davon Proteus vulgaris	1	0,43
- davon andere Proteus spp.*	1	0,43

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: WEANING)

Art der Infektion	ZVK-assoziierte Sepsis (nur B1, B2)
Anzahl Infektionen insgesamt	199
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	199
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	213

Tabelle 3.2.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Erregergruppe		
Bacterium	192	96,48
Fungus	8	4,02
Gram-Charakteristika		
Gram-positive	143	71,86
Gram-negative	55	27,64
MRE		
MRSA	4	2,01
VRE	9	4,52
3MRGN	2	1,01
4MRGN	1	0,50
Kommensale	83	41,71

Tabelle 3.2.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Staphylococcus spp.	95	47,74
- davon Staphylococcus epidermidis	65	32,66
- davon Staphylococcus aureus	16	8,04
-- davon MRSA	4	2,01
- davon Staphylococcus hominis	4	2,01
- davon Staphylococcus haemolyticus	4	2,01
- davon andere Staphylococcus spp.*	6	3,02
Enterococcus spp.	47	23,62
- davon Enterococcus faecium	28	14,07
-- davon VRE	9	4,52
- davon Enterococcus faecalis	18	9,05
- davon Enterococcus avium	1	0,50
Klebsiella spp.	21	10,55
- davon Klebsiella pneumoniae	14	7,04
-- davon 3MRGN	1	0,50
-- davon 4MRGN	1	0,50
- davon Klebsiella oxytoca	7	3,52
Serratia spp.	9	4,52
- davon Serratia marcescens	9	4,52
Candida spp.	8	4,02
- davon Candida albicans	7	3,52
- davon Candida glabrata	1	0,50

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: WEANING)

Art der Infektion	INV-assoz. Atemwegsinfektion
Anzahl Infektionen insgesamt	343
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	299
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	386

Tabelle 3.3.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Erregergruppe		
Bacterium	296	86,30
Fungus	7	2,04
Virus	1	0,29
Gram-Charakteristika		
Gram-positive	83	24,20
Gram-negative	247	72,01
MRE		
MRSA	13	3,79
VRE	1	0,29
3MRGN	26	7,58
4MRGN	12	3,50

Tabelle 3.3.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Pseudomonas spp.	99	28,86
- davon Pseudomonas aeruginosa	97	28,28
-- davon 3MRGN	8	2,33
-- davon 4MRGN	7	2,04
- davon andere Pseudomonas spp.*	2	0,58
Staphylococcus spp.	71	20,70
- davon Staphylococcus aureus	65	18,95
-- davon MRSA	13	3,79
- davon Staphylococcus epidermidis	1	0,29
- davon Staphylococcus haemolyticus	1	0,29
- davon Staphylococcus lugdunensis	1	0,29
- davon andere Staphylococcus spp.*	3	0,87
Klebsiella spp.	57	16,62
- davon Klebsiella pneumoniae	37	10,79
-- davon 3MRGN	6	1,75
-- davon 4MRGN	1	0,29
- davon Klebsiella oxytoca	15	4,37
- davon andere Klebsiella spp.*	5	1,46
Escherichia spp.	44	12,83
- davon Escherichia coli	44	12,83
-- davon 3MRGN	7	2,04
Serratia spp.	19	5,54
- davon Serratia marcescens	19	5,54
-- davon 3MRGN	1	0,29

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus