

# KISS Krankenhaus-Infektions-Surveillance-System



## Infektionssurveillance im Modul ITS-KISS Referenzdaten

**Berechnungszeitraum: Januar 2017 bis Dezember 2020**  
**Erstellungsdatum: 26.April 2021**

Nationales Referenzzentrum  
für Surveillance  
von nosokomialen Infektionen  
Hindenburgdamm 27  
12203 Berlin  
Tel.: 030 / 450-577-612  
Fax: 030 / 450-577-920  
[www.nrz-hygiene.de](http://www.nrz-hygiene.de)  
Version: 26.April 2021

**Referenzdaten - Device-Anwendungsraten und Device-assoziierte Infektionsraten**

<b>Art der Station:</b> ALLE	<b>Anzahl Patienten:</b> 3.197.045	<b>Mittlere Liegedauer:</b> 3,95
<b>Anzahl Stationen:</b> 1.109	<b>Anzahl Patiententage:</b> 12.624.019	

Tabelle 1.1: Device-Anwendungsraten über alle Stationen dieser Art (Elemente mit weniger als 5 Stationen werden nicht angezeigt)

Device	Anzahl Stationen	Anzahl Patiententage	Anzahl Devicetage	Device-Anwendungsrate			
				gepoolter arithm. Mittelwert	25%-Quantil (Q1)	Median	75%-Quantil (Q3)
HWK	1.109	12.624.019	10.026.644	79,43	75,08	83,75	90,39
ZVK	1.109	12.624.019	7.928.448	62,80	48,94	62,97	77,37
Beatmung INV	1.109	12.624.019	4.610.761	36,52	23,39	33,13	45,49
Beatmung NIV (a)	486	4.521.313	444.386	9,83	5,10	9,14	13,28
Ventrikeldrainage (a)	166	1.665.193	174.450	10,48	2,65	6,23	12,31
ECLS (a)	95	754.780	47.989	6,36	1,83	3,34	5,99

Tabelle 1.2: Umfang der Blutkulturdiagnostik über alle Stationen dieser Art, nur Stationen, die mindestens einmalig im Zeitraum Angaben zu Blutkulturen gemacht haben

Anzahl Stationen	Anzahl Patiententage	Anzahl Blutkulturen	Blutkultur-Abnahmefrequenz (Anz. Blutkulturen / 1000 Patiententage)			
			gepoolter arithm. Mittelwert	25%-Quantil (Q1)	Median	75%-Quantil (Q3)
919	10.333.180	1.981.151	191,73	104,74	158,07	237,06

Tabelle 2: Device-assoziierte Infektionsraten über alle Stationen dieser Art (Elemente mit weniger als 5 Stationen werden nicht angezeigt)

Art der Infektion	Anzahl Stationen	Anzahl Device-ass. Infektionen	Device-assoziierte Infektionsrate			
			gepoolter arithm. Mittelwert	25%-Quantil (Q1)	Median	75%-Quantil (Q3)
HWK-assoziierte Harnwegsinfektion	1.109	11.695	1,17	0,17	0,64	1,46
ZVK-assoziierte Sepsis (nur B1, B2)	1.109	8.929	1,13	0,28	0,80	1,49
INV-assoz. Atemwegsinfektion	1.109	18.157	3,94	1,18	3,03	5,25
-INV-assoz. Pneumonie	1.109	14.209	3,08	0,94	2,40	4,30
-INV-assoz. Bronchitis	1.109	3.948	0,86	0,00	0,00	0,79
NIV-assoz. Atemwegsinfektion (a)	486	698	1,57	0,00	0,00	2,04
-NIV-assoz. Pneumonie (a)	486	624	1,40	0,00	0,00	1,76
-NIV-assoz. Bronchitis (a)	486	74	0,17	0,00	0,00	0,00
Ventrikeldrainage-assoziierte Meningitis (a)	166	557	3,19	0,00	0,74	3,27
ECLS-assoziierte Sepsis (nur B1, B2) (a)	95	75	1,56	0,00	0,00	0,67

(a) - als optionale Surveillancekomponente

**Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: ALLE)**

<b>Art der Infektion</b>	HWK-assoziierte Harnwegsinfektion
<b>Anzahl Infektionen insgesamt</b>	11695
<b>Anzahl Infektionen mit Erregerangabe</b>	11695
<b>Erregerangaben im Rahmen von Infektionen</b>	13234

Tabelle 3.1.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
<b>Erregergruppe</b>		
Bacterium	11695	100,00
<b>Gram-Charakteristika</b>		
Gram-positive	3007	25,71
Gram-negative	9377	80,18
<b>MRE</b>		
MRSA	24	0,21
VRE	402	3,44
3MRGN	751	6,42
4MRGN	126	1,08

Tabelle 3.1.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Escherichia spp.	4246	36,31
- davon Escherichia coli	4242	36,27
-- davon 3MRGN	429	3,67
-- davon 4MRGN	1	0,01
- davon andere Escherichia spp.*	4	0,03
Enterococcus spp.	2707	23,15
- davon Enterococcus faecium	1444	12,35
-- davon VRE	375	3,21
- davon Enterococcus faecalis	1190	10,18
-- davon VRE	27	0,23
- davon Enterococcus avium	9	0,08
- davon Enterococcus gallinarum	4	0,03
- davon andere Enterococcus spp.*	60	0,51
Pseudomonas spp.	1916	16,38
- davon Pseudomonas aeruginosa	1895	16,20
-- davon 3MRGN	117	1,00
-- davon 4MRGN	76	0,65
- davon Pseudomonas fluorescens	8	0,07
- davon Pseudomonas stutzeri	2	0,02
- davon Pseudomonas pertucinogena	1	0,01
- davon andere Pseudomonas spp.*	10	0,09
Klebsiella spp.	1674	14,31
- davon Klebsiella pneumoniae	1265	10,82
-- davon 3MRGN	129	1,10
-- davon 4MRGN	31	0,27
- davon Klebsiella oxytoca	345	2,95
-- davon 3MRGN	8	0,07

**KISS Krankenhaus-Infektions-Surveillance-System**  
**Infektionssurveillance im Modul ITS-KISS**  
**Berechnungszeitraum: Januar 2017 bis Dezember 2020**

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
- davon andere Klebsiella spp.*	64	0,55
Proteus spp.	926	7,92
- davon Proteus mirabilis	837	7,16
-- davon 3MRGN	7	0,06
- davon Proteus vulgaris	44	0,38
- davon Proteus penneri	12	0,10
- davon Proteus myxofaciens	1	0,01
- davon andere Proteus spp.*	32	0,27

\*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

**Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: ALLE)**

<b>Art der Infektion</b>	ZVK-assoziierte Sepsis (nur B1, B2)
<b>Anzahl Infektionen insgesamt</b>	8929
<b>Anzahl Infektionen mit Erregerangabe</b>	8834
<b>Erregerangaben im Rahmen von Infektionen</b>	9564

Tabelle 3.2.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
<b>Erregergruppe</b>		
Bacterium	8222	92,08
Fungus	666	7,46
<b>Gram-Charakteristika</b>		
Gram-positive	6232	69,80
Gram-negative	2220	24,86
<b>MRE</b>		
MRSA	182	2,04
VRE	444	4,97
3MRGN	160	1,79
4MRGN	53	0,59
<b>Kommensale</b>	3227	36,14

Tabelle 3.2.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Staphylococcus spp.	3987	44,65
- davon Staphylococcus epidermidis	2275	25,48
- davon Staphylococcus aureus	937	10,49
-- davon MRSA	182	2,04
- davon Staphylococcus hominis	265	2,97
- davon Staphylococcus haemolyticus	240	2,69
- davon andere Staphylococcus spp.*	270	3,02
Enterococcus spp.	2095	23,46
- davon Enterococcus faecium	1453	16,27
-- davon VRE	428	4,79
- davon Enterococcus faecalis	595	6,66
-- davon VRE	16	0,18
- davon Enterococcus avium	13	0,15
- davon Enterococcus gallinarum	9	0,10
- davon andere Enterococcus spp.*	25	0,28
Candida spp.	661	7,40
- davon Candida albicans	397	4,45
- davon Candida glabrata	142	1,59
- davon Candida parapsilosis	54	0,60
- davon Candida tropicalis	31	0,35
- davon andere Candida spp.*	37	0,41
Klebsiella spp.	640	7,17
- davon Klebsiella pneumoniae	451	5,05
-- davon 3MRGN	47	0,53
-- davon 4MRGN	24	0,27
- davon Klebsiella oxytoca	162	1,81
-- davon 3MRGN	5	0,06

**KISS Krankenhaus-Infektions-Surveillance-System**  
**Infektionssurveillance im Modul ITS-KISS**  
**Berechnungszeitraum: Januar 2017 bis Dezember 2020**

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
- davon andere Klebsiella spp.*	27	0,30
Escherichia spp.	492	5,51
- davon Escherichia coli	491	5,50
-- davon 3MRGN	59	0,66
-- davon 4MRGN	2	0,02
- davon andere Escherichia spp.*	1	0,01

\*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

**Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: ALLE)**

Art der Infektion	INV-assoz. Atemwegsinfektion
Anzahl Infektionen insgesamt	18157
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	14779
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	19209

Tabelle 3.3.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
<b>Erregergruppe</b>		
Bacterium	14303	78,77
Fungus	965	5,31
Virus	40	0,22
<b>Gram-Charakteristika</b>		
Gram-positive	4019	22,13
Gram-negative	11806	65,02
<b>MRE</b>		
MRSA	460	2,53
VRE	70	0,39
3MRGN	959	5,28
4MRGN	314	1,73

Tabelle 3.3.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Staphylococcus spp.	3308	18,22
- davon Staphylococcus aureus	3120	17,18
-- davon MRSA	460	2,53
- davon Staphylococcus epidermidis	65	0,36
- davon Staphylococcus haemolyticus	22	0,12
- davon Staphylococcus hominis	9	0,05
- davon andere Staphylococcus spp.*	92	0,51
Klebsiella spp.	3122	17,19
- davon Klebsiella pneumoniae	2073	11,42
-- davon 3MRGN	209	1,15
-- davon 4MRGN	42	0,23
- davon Klebsiella oxytoca	917	5,05
-- davon 3MRGN	25	0,14
-- davon 4MRGN	1	0,01
- davon Klebsiella granulomatis	3	0,02
-- davon 4MRGN	1	0,01
- davon andere Klebsiella spp.*	129	0,71
Escherichia spp.	2535	13,96
- davon Escherichia coli	2526	13,91
-- davon 3MRGN	289	1,59
-- davon 4MRGN	10	0,06
- davon Escherichia fergusonii	2	0,01
- davon andere Escherichia spp.*	7	0,04
Pseudomonas spp.	2495	13,74
- davon Pseudomonas aeruginosa	2429	13,38
-- davon 3MRGN	322	1,77
-- davon 4MRGN	203	1,12

**KISS Krankenhaus-Infektions-Surveillance-System**  
**Infektionssurveillance im Modul ITS-KISS**  
**Berechnungszeitraum: Januar 2017 bis Dezember 2020**

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
- davon Pseudomonas putida	13	0,07
- davon Pseudomonas fluorescens	6	0,03
- davon Pseudomonas mendocina	5	0,03
- davon andere Pseudomonas spp.*	42	0,23
Enterobacter spp.	1591	8,76
- davon Enterobacter cloacae	876	4,82
-- davon 3MRGN	41	0,23
-- davon 4MRGN	3	0,02
- davon Enterobacter aerogenes	398	2,19
-- davon 4MRGN	15	0,08
-- davon 3MRGN	12	0,07
- davon Enterobacter asburiae	25	0,14
-- davon 3MRGN	1	0,01
- davon Enterobacter hormaechei	13	0,07
- davon andere Enterobacter spp.*	279	1,54

\*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus



**Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: ALLE)**

<b>Art der Infektion</b>	NIV-assoz. Atemwegsinfektion
<b>Anzahl Infektionen insgesamt</b>	698
<b>Anzahl Infektionen mit Erregerangabe</b>	404
<b>Erregerangaben im Rahmen von Infektionen</b>	513

Tabelle 3.4.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
<b>Erregergruppe</b>		
Bacterium	380	54,44
Fungus	35	5,01
Virus	8	1,15
<b>Gram-Charakteristika</b>		
Gram-positive	109	15,62
Gram-negative	309	44,27
<b>MRE</b>		
MRSA	19	2,72
VRE	3	0,43
3MRGN	24	3,44
4MRGN	6	0,86

Tabelle 3.4.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Staphylococcus spp.	90	12,89
- davon Staphylococcus aureus	83	11,89
-- davon MRSA	19	2,72
- davon Staphylococcus epidermidis	6	0,86
- davon Staphylococcus intermedius	1	0,14
- davon Staphylococcus haemolyticus	1	0,14
Klebsiella spp.	89	12,75
- davon Klebsiella pneumoniae	60	8,60
-- davon 3MRGN	5	0,72
- davon Klebsiella oxytoca	20	2,87
- davon andere Klebsiella spp.*	9	1,29
Escherichia spp.	75	10,74
- davon Escherichia coli	75	10,74
-- davon 3MRGN	7	1,00
Pseudomonas spp.	57	8,17
- davon Pseudomonas aeruginosa	54	7,74
-- davon 4MRGN	6	0,86
-- davon 3MRGN	5	0,72
- davon Pseudomonas mendocina	1	0,14
- davon Pseudomonas putida	1	0,14
- davon andere Pseudomonas spp.*	1	0,14
Enterobacter spp.	35	5,01
- davon Enterobacter cloacae	22	3,15
-- davon 3MRGN	3	0,43
- davon Enterobacter aerogenes	6	0,86
- davon Enterobacter gergoviae	1	0,14
- davon andere Enterobacter spp.*	6	0,86



**KISS Krankenhaus-Infektions-Surveillance-System**  
**Infektionssurveillance im Modul ITS-KISS**  
**Berechnungszeitraum: Januar 2017 bis Dezember 2020**

\*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

**Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: ALLE)**

<b>Art der Infektion</b>	Ventrikeldrainage-assoziierte Meningitis
<b>Anzahl Infektionen insgesamt</b>	557
<b>Anzahl Infektionen mit Erregerangabe</b>	479
<b>Erregerangaben im Rahmen von Infektionen</b>	498

Tabelle 3.5.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
<b>Erregergruppe</b>		
Bacterium	477	85,64
Fungus	3	0,54
Virus	0	0,00
<b>Gram-Charakteristika</b>		
Gram-positive	307	55,12
Gram-negative	175	31,42
<b>MRE</b>		
MRSA	0	0,00
VRE	2	0,36
3MRGN	9	1,62
4MRGN	1	0,18
<b>Kommensale</b>	219	39,32

Tabelle 3.5.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Staphylococcus spp.	241	43,27
- davon Staphylococcus epidermidis	136	24,42
- davon Staphylococcus aureus	41	7,36
- davon Staphylococcus hominis	22	3,95
- davon Staphylococcus haemolyticus	17	3,05
- davon andere Staphylococcus spp.*	25	4,49
Klebsiella spp.	54	9,69
- davon Klebsiella pneumoniae	38	6,82
-- davon 3MRGN	5	0,90
- davon Klebsiella oxytoca	8	1,44
- davon andere Klebsiella spp.*	8	1,44
Enterococcus spp.	40	7,18
- davon Enterococcus faecalis	24	4,31
- davon Enterococcus faecium	15	2,69
-- davon VRE	2	0,36
- davon andere Enterococcus spp.*	1	0,18
Enterobacter spp.	32	5,75
- davon Enterobacter cloacae	17	3,05
-- davon 3MRGN	1	0,18
- davon Enterobacter aerogenes	9	1,62
- davon andere Enterobacter spp.*	6	1,08
Escherichia spp.	27	4,85
- davon Escherichia coli	27	4,85
-- davon 3MRGN	2	0,36

\*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus