

KISS Krankenhaus-Infektions-Surveillance-System



Infektionssurveillance im Modul ITS-KISS Referenzdaten

Berechnungszeitraum: Januar 2017 bis Dezember 2020
Erstellungsdatum: 26.April 2021

Nationales Referenzzentrum
für Surveillance
von nosokomialen Infektionen
Hindenburgdamm 27
12203 Berlin
Tel.: 030 / 450-577-612
Fax: 030 / 450-577-920
www.nrz-hygiene.de
Version: 26.April 2021

Referenzdaten - Device-Anwendungsraten und Device-assoziierte Infektionsraten

Art der Station: WEANING	Anzahl Patienten: 15.566	Mittlere Liegedauer: 15,97
Anzahl Stationen: 24	Anzahl Patiententage: 248.594	

Tabelle 1.1: Device-Anwendungsraten über alle Stationen dieser Art (Elemente mit weniger als 5 Stationen werden nicht angezeigt)

Device	Anzahl Stationen	Anzahl Patiententage	Anzahl Devicetage	Device-Anwendungsrate			
				gepoolter arithm. Mittelwert	25%-Quantil (Q1)	Median	75%-Quantil (Q3)
HWK	24	248.594	198.094	79,69	77,22	88,84	92,77
ZVK	24	248.594	104.616	42,08	28,40	40,94	59,27
Beatmung INV	24	248.594	146.025	58,74	45,07	64,72	73,91
Beatmung NIV (a)	16	116.621	15.795	13,54	8,29	11,78	21,92
Ventrikeldrainage (a)	(b)						
ECLS (a)	(b)						

Tabelle 1.2: Umfang der Blutkulturdiagnostik über alle Stationen dieser Art, nur Stationen, die mindestens einmalig im Zeitraum Angaben zu Blutkulturen gemacht haben

Anzahl Stationen	Anzahl Patiententage	Anzahl Blutkulturen	Blutkultur-Abnahmefrequenz (Anz. Blutkulturen / 1000 Patiententage)			
			gepoolter arithm. Mittelwert	25%-Quantil (Q1)	Median	75%-Quantil (Q3)
20	198.224	18.228	91,96	51,88	81,24	125,23

Tabelle 2: Device-assoziierte Infektionsraten über alle Stationen dieser Art (Elemente mit weniger als 5 Stationen werden nicht angezeigt)

Art der Infektion	Anzahl Stationen	Anzahl Device-ass. Infektionen	Device-assoziierte Infektionsrate			
			gepoolter arithm. Mittelwert	25%-Quantil (Q1)	Median	75%-Quantil (Q3)
HWK-assoziierte Harnwegsinfektion	24	306	1,54	0,52	1,33	2,71
ZVK-assoziierte Sepsis (nur B1, B2)	24	236	2,26	1,28	1,68	3,28
INV-assoz. Atemwegsinfektion	24	422	2,89	1,26	2,14	3,53
-INV-assoz. Pneumonie	24	257	1,76	0,56	1,34	2,38
-INV-assoz. Bronchitis	24	165	1,13	0,00	0,58	1,23
NIV-assoz. Atemwegsinfektion (a)	16	16	1,01	0,00	0,00	1,54
-NIV-assoz. Pneumonie (a)	16	13	0,82	0,00	0,00	1,02
-NIV-assoz. Bronchitis (a)	16	3	0,19	0,00	0,00	0,00
Ventrikeldrainage-assoziierte Meningitis (a)	(b)					
ECLS-assoziierte Sepsis (nur B1, B2) (a)	(b)					

(a) - als optionale Surveillancekomponente

(b) - Datenmenge noch unzureichend

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: WEANING)

Art der Infektion	HWK-assoziierte Harnwegsinfektion
Anzahl Infektionen insgesamt	306
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	306
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	352

Tabelle 3.1.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Erregergruppe		
Bacterium	306	100,00
Gram-Charakteristika		
Gram-positive	76	24,84
Gram-negative	251	82,03
MRE		
MRSA	2	0,65
VRE	14	4,58
3MRGN	23	7,52
4MRGN	4	1,31

Tabelle 3.1.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Escherichia spp.	76	24,84
- davon Escherichia coli	76	24,84
-- davon 3MRGN	12	3,92
Enterococcus spp.	70	22,88
- davon Enterococcus faecalis	36	11,76
- davon Enterococcus faecium	29	9,48
-- davon VRE	14	4,58
- davon andere Enterococcus spp.*	5	1,63
Pseudomonas spp.	66	21,57
- davon Pseudomonas aeruginosa	65	21,24
-- davon 3MRGN	5	1,63
-- davon 4MRGN	3	0,98
- davon Pseudomonas fluorescens	1	0,33
Klebsiella spp.	54	17,65
- davon Klebsiella pneumoniae	41	13,40
-- davon 3MRGN	5	1,63
- davon Klebsiella oxytoca	12	3,92
- davon andere Klebsiella spp.*	1	0,33
Proteus spp.	41	13,40
- davon Proteus mirabilis	36	11,76
- davon Proteus vulgaris	3	0,98
- davon Proteus penneri	1	0,33
- davon andere Proteus spp.*	1	0,33

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: WEANING)

Art der Infektion	ZVK-assoziierte Sepsis (nur B1, B2)
Anzahl Infektionen insgesamt	236
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	236
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	254

Tabelle 3.2.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Erregergruppe		
Bacterium	225	95,34
Fungus	13	5,51
Gram-Charakteristika		
Gram-positive	165	69,92
Gram-negative	68	28,81
MRE		
MRSA	4	1,69
VRE	13	5,51
3MRGN	2	0,85
4MRGN	1	0,42
Kommensale	91	38,56

Tabelle 3.2.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Staphylococcus spp.	104	44,07
- davon Staphylococcus epidermidis	70	29,66
- davon Staphylococcus aureus	17	7,20
-- davon MRSA	4	1,69
- davon Staphylococcus haemolyticus	6	2,54
- davon Staphylococcus hominis	4	1,69
- davon andere Staphylococcus spp.*	7	2,97
Enterococcus spp.	59	25,00
- davon Enterococcus faecium	38	16,10
-- davon VRE	13	5,51
- davon Enterococcus faecalis	20	8,47
- davon Enterococcus avium	1	0,42
Klebsiella spp.	26	11,02
- davon Klebsiella pneumoniae	18	7,63
-- davon 3MRGN	1	0,42
-- davon 4MRGN	1	0,42
- davon Klebsiella oxytoca	8	3,39
Candida spp.	13	5,51
- davon Candida albicans	10	4,24
- davon Candida tropicalis	1	0,42
- davon Candida parapsilosis	1	0,42
- davon Candida glabrata	1	0,42
Serratia spp.	9	3,81
- davon Serratia marcescens	9	3,81

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: WEANING)

Art der Infektion	INV-assoz. Atemwegsinfektion
Anzahl Infektionen insgesamt	422
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	367
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	466

Tabelle 3.3.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Erregergruppe		
Bacterium	363	86,02
Fungus	9	2,13
Virus	1	0,24
Gram-Charakteristika		
Gram-positive	89	21,09
Gram-negative	309	73,22
MRE		
MRSA	15	3,55
VRE	1	0,24
3MRGN	32	7,58
4MRGN	16	3,79

Tabelle 3.3.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Pseudomonas spp.	120	28,44
- davon Pseudomonas aeruginosa	117	27,73
-- davon 3MRGN	13	3,08
-- davon 4MRGN	10	2,37
- davon andere Pseudomonas spp.*	3	0,71
Staphylococcus spp.	77	18,25
- davon Staphylococcus aureus	71	16,82
-- davon MRSA	15	3,55
- davon Staphylococcus epidermidis	1	0,24
- davon Staphylococcus haemolyticus	1	0,24
- davon Staphylococcus lugdunensis	1	0,24
- davon andere Staphylococcus spp.*	3	0,71
Klebsiella spp.	75	17,77
- davon Klebsiella pneumoniae	50	11,85
-- davon 3MRGN	7	1,66
-- davon 4MRGN	2	0,47
- davon Klebsiella oxytoca	20	4,74
- davon andere Klebsiella spp.*	5	1,18
Escherichia spp.	54	12,80
- davon Escherichia coli	54	12,80
-- davon 3MRGN	7	1,66
Serratia spp.	24	5,69
- davon Serratia marcescens	24	5,69
-- davon 3MRGN	1	0,24
-- davon 4MRGN	1	0,24

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus