

KISS Krankenhaus-Infektions-Surveillance-System



Infektionssurveillance im Modul ITS-KISS Referenzdaten

Berechnungszeitraum: Januar 2017 bis Dezember 2021
Erstellungsdatum: 12.Mai 2022

Nationales Referenzzentrum
für Surveillance
von nosokomialen Infektionen
Hindenburgdamm 27
12203 Berlin
Tel.: 030 / 450-577-612
Fax: 030 / 450-577-920
www.nrz-hygiene.de
Version: 12.Mai 2022

Referenzdaten - Device-Anwendungsraten und Device-assoziierte Infektionsraten

Art der Station: WEANING	Anzahl Patienten: 19.720	Mittlere Liegedauer: 14,86
Anzahl Stationen: 25	Anzahl Patiententage: 293.001	

Tabelle 1.1: Device-Anwendungsraten über alle Stationen dieser Art (Elemente mit weniger als 5 Stationen werden nicht angezeigt)

Device	Anzahl Stationen	Anzahl Patiententage	Anzahl Devicetage	Device-Anwendungsrate			
				gepoolter arithm. Mittelwert	25%-Quantil (Q1)	Median	75%-Quantil (Q3)
HWK	25	293.001	234.712	80,11	76,87	89,34	91,68
ZVK	25	293.001	115.552	39,44	25,08	40,01	56,39
Beatmung INV	25	293.001	163.726	55,88	48,62	65,45	71,88
Beatmung NIV (a)	16	146.561	20.379	13,90	7,67	12,29	20,00
Ventrikeldrainage (a)	(b)						
ECLS (a)	(b)						

Tabelle 1.2: Umfang der Blutkulturdiagnostik über alle Stationen dieser Art, nur Stationen, die mindestens einmalig im Zeitraum Angaben zu Blutkulturen gemacht haben

Anzahl Stationen	Anzahl Patiententage	Anzahl Blutkulturen	Blutkultur-Abnahmefrequenz (Anz. Blutkulturen / 1000 Patiententage)			
			gepoolter arithm. Mittelwert	25%-Quantil (Q1)	Median	75%-Quantil (Q3)
21	253.685	36.513	143,93	61,44	81,41	138,14

Tabelle 2: Device-assoziierte Infektionsraten über alle Stationen dieser Art (Elemente mit weniger als 5 Stationen werden nicht angezeigt)

Art der Infektion	Anzahl Stationen	Anzahl Device-ass. Infektionen	Device-assoziierte Infektionsrate			
			gepoolter arithm. Mittelwert	25%-Quantil (Q1)	Median	75%-Quantil (Q3)
HWK-assoziierte Harnwegsinfektion	25	356	1,52	0,51	1,40	2,73
ZVK-assoziierte Sepsis (nur B1, B2)	25	259	2,24	1,17	1,77	2,84
INV-assoz. Atemwegsinfektion	25	443	2,71	1,16	1,82	4,19
-INV-assoz. Pneumonie	25	272	1,66	0,56	1,16	3,50
-INV-assoz. Bronchitis	25	171	1,04	0,00	0,31	0,86
NIV-assoz. Atemwegsinfektion (a)	16	18	0,88	0,00	0,30	1,54
-NIV-assoz. Pneumonie (a)	16	13	0,64	0,00	0,00	0,88
-NIV-assoz. Bronchitis (a)	16	5	0,25	0,00	0,00	0,12
Ventrikeldrainage-assoziierte Meningitis (a)	(b)					
ECLS-assoziierte Sepsis (nur B1, B2) (a)	(b)					

(a) - als optionale Surveillancekomponente

(b) - Datenmenge noch unzureichend

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: WEANING)

Art der Infektion	HWK-assoziierte Harnwegsinfektion
Anzahl Infektionen insgesamt	356
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	356
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	407

Tabelle 3.1.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Erregergruppe		
Bacterium	356	100,00
Gram-Charakteristika		
Gram-positive	97	27,25
Gram-negative	285	80,06
MRE		
MRSA	2	0,56
VRE	16	4,49
3MRGN	24	6,74
4MRGN	5	1,40

Tabelle 3.1.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Enterococcus spp.	89	25,00
- davon Enterococcus faecalis	42	11,80
-- davon VRE	1	0,28
- davon Enterococcus faecium	41	11,52
-- davon VRE	15	4,21
- davon Enterococcus raffinosus	1	0,28
- davon andere Enterococcus spp.*	5	1,40
Escherichia spp.	85	23,88
- davon Escherichia coli	85	23,88
-- davon 3MRGN	8	2,25
Pseudomonas spp.	72	20,22
- davon Pseudomonas aeruginosa	71	19,94
-- davon 3MRGN	5	1,40
-- davon 4MRGN	4	1,12
- davon Pseudomonas fluorescens	1	0,28
Klebsiella spp.	55	15,45
- davon Klebsiella pneumoniae	41	11,52
-- davon 3MRGN	9	2,53
- davon Klebsiella oxytoca	13	3,65
- davon andere Klebsiella spp.*	1	0,28
Proteus spp.	44	12,36
- davon Proteus mirabilis	38	10,67
- davon Proteus vulgaris	4	1,12
- davon Proteus penneri	1	0,28
- davon andere Proteus spp.*	1	0,28

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: WEANING)

Art der Infektion	ZVK-assoziierte Sepsis (nur B1, B2)
Anzahl Infektionen insgesamt	259
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	259
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	276

Tabelle 3.2.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Erregergruppe		
Bacterium	248	95,75
Fungus	13	5,02
Gram-Charakteristika		
Gram-positive	182	70,27
Gram-negative	74	28,57
MRE		
MRSA	6	2,32
VRE	14	5,41
3MRGN	2	0,77
4MRGN	1	0,39
Kommensale	100	38,61

Tabelle 3.2.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Staphylococcus spp.	115	44,40
- davon Staphylococcus epidermidis	78	30,12
- davon Staphylococcus aureus	19	7,34
-- davon MRSA	6	2,32
- davon Staphylococcus haemolyticus	7	2,70
- davon Staphylococcus hominis	5	1,93
- davon andere Staphylococcus spp.*	6	2,32
Enterococcus spp.	63	24,32
- davon Enterococcus faecium	43	16,60
-- davon VRE	14	5,41
- davon Enterococcus faecalis	20	7,72
Klebsiella spp.	27	10,42
- davon Klebsiella pneumoniae	19	7,34
-- davon 3MRGN	1	0,39
-- davon 4MRGN	1	0,39
- davon Klebsiella oxytoca	8	3,09
Candida spp.	13	5,02
- davon Candida albicans	9	3,47
- davon Candida glabrata	2	0,77
- davon Candida tropicalis	1	0,39
- davon Candida parapsilosis	1	0,39
Serratia spp.	11	4,25
- davon Serratia marcescens	11	4,25

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: WEANING)

Art der Infektion	INV-assoz. Atemwegsinfektion
Anzahl Infektionen insgesamt	443
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	382
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	473

Tabelle 3.3.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Erregergruppe		
Bacterium	377	85,10
Fungus	8	1,81
Virus	2	0,45
Gram-Charakteristika		
Gram-positive	92	20,77
Gram-negative	317	71,56
MRE		
MRSA	14	3,16
VRE	1	0,23
3MRGN	35	7,90
4MRGN	16	3,61

Tabelle 3.3.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Pseudomonas spp.	111	25,06
- davon Pseudomonas aeruginosa	107	24,15
-- davon 3MRGN	16	3,61
-- davon 4MRGN	9	2,03
- davon andere Pseudomonas spp.*	4	0,90
Staphylococcus spp.	83	18,74
- davon Staphylococcus aureus	77	17,38
-- davon MRSA	14	3,16
- davon Staphylococcus epidermidis	1	0,23
- davon Staphylococcus haemolyticus	1	0,23
- davon Staphylococcus lugdunensis	1	0,23
- davon andere Staphylococcus spp.*	3	0,68
Klebsiella spp.	77	17,38
- davon Klebsiella pneumoniae	53	11,96
-- davon 3MRGN	7	1,58
-- davon 4MRGN	2	0,45
- davon Klebsiella oxytoca	18	4,06
- davon andere Klebsiella spp.*	6	1,35
Escherichia spp.	53	11,96
- davon Escherichia coli	53	11,96
-- davon 3MRGN	7	1,58
Proteus spp.	28	6,32
- davon Proteus mirabilis	26	5,87
-- davon 3MRGN	1	0,23
- davon andere Proteus spp.*	2	0,45

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus