

KISS Krankenhaus-Infektions-Surveillance-System



Nationales Referenzzentrum
für Surveillance von
nosokomialen Infektionen

**Infektionssurveillance im Modul ITS-KISS
Referenzdaten**

**Berechnungszeitraum: Januar 2019 bis Dezember 2023
Erstellungsdatum: 6.März 2024**

Nationales Referenzzentrum
für Surveillance
von nosokomialen Infektionen
Hindenburgdamm 27
12203 Berlin
Tel.: 030 / 450-577-612
Fax: 030 / 450-577-920
www.nrz-hygiene.de
Version: 6.März 2024

Referenzdaten - Device-Anwendungsraten und Device-assoziierte Infektionsraten

Art der Station:	INTERDISZIPLINÄR (BETTEN >= 400)	Anzahl Patienten:	958.182	Mittlere Liegedauer:	4,07
Anzahl Stationen:	233	Anzahl Patiententage:	3.902.127		

Tabelle 1.1: Device-Anwendungsraten über alle Stationen dieser Art (Elemente mit weniger als 5 Stationen werden nicht angezeigt)

Device	Anzahl Stationen	Anzahl Patiententage	Anzahl Devicetage	Device-Anwendungsrate			
				gepoolter arithm. Mittelwert	25%-Quantil (Q1)	Median	75%-Quantil (Q3)
HWK	233	3.902.127	3.320.959	85,11	80,79	87,39	91,64
ZVK	233	3.902.127	2.770.260	70,99	62,30	72,29	80,45
Beatmung INV	233	3.902.127	1.577.631	40,43	29,88	38,34	47,64
Beatmung NIV (a)	111	1.507.142	144.427	9,58	5,82	9,62	12,97
Ventrikeldrainage (a)	52	785.838	71.370	9,08	3,28	6,25	10,19
ECLS (a)	29	286.390	19.633	6,86	2,27	4,13	6,25

Tabelle 1.2: Umfang der Blutkulturdiagnostik über alle Stationen dieser Art, nur Stationen, die mindestens einmalig im Zeitraum Angaben zu Blutkulturen gemacht haben

Anzahl Stationen	Anzahl Patiententage	Anzahl Blutkulturen	Blutkultur-Abnahmefrequenz (Anz. Blutkulturen / 1000 Patiententage)			
			gepoolter arithm. Mittelwert	25%-Quantil (Q1)	Median	75%-Quantil (Q3)
205	3.659.549	984.536	269,03	173,26	240,00	325,53

Tabelle 2: Device-assoziierte Infektionsraten über alle Stationen dieser Art (Elemente mit weniger als 5 Stationen werden nicht angezeigt)

Art der Infektion	Anzahl Stationen	Anzahl Device-ass. Infektionen	Device-assoziierte Infektionsrate			
			gepoolter arithm. Mittelwert	25%-Quantil (Q1)	Median	75%-Quantil (Q3)
HWK-assoziierte Harnwegsinfektion	233	4.440	1,34	0,44	0,93	1,64
ZVK-assoziierte Blutstrominfektion (nur B1, B2)	233	3.365	1,21	0,47	0,97	1,69
INV-assoz. Atemwegsinfektion	233	6.306	4,00	1,79	3,12	5,59
-INV-assoz. Pneumonie	233	4.858	3,08	1,39	2,65	4,43
-INV-assoz. Bronchitis	233	1.448	0,92	0,00	0,13	0,82
NIV-assoz. Atemwegsinfektion (a)	111	225	1,56	0,00	0,76	2,40
-NIV-assoz. Pneumonie (a)	111	206	1,43	0,00	0,49	2,11
-NIV-assoz. Bronchitis (a)	111	19	0,13	0,00	0,00	0,00
Ventrikeldrainage-assoziierte Meningitis (a)	52	277	3,88	0,00	1,92	4,80
ECLS-assoziierte Blutstrominfektion (nur B1, B2) (a)	29	100	5,09	0,00	1,35	6,88

(a) - als optionale Surveillancekomponente

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: INTERDISZIPLINÄR (BETTEN >= 400))

Art der Infektion	HWK-assoziierte Harnwegsinfektion
Anzahl Infektionen insgesamt	4440
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	4440
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	4987

Tabelle 3.1.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Erregergruppe		
Bacterium	4440	100,00
Gram-Charakteristika		
Gram-positive	1089	24,53
Gram-negative	3549	79,93
MRE		
MRSA	0	0,00
VRE	127	2,86
3MRGN	190	4,28
4MRGN	45	1,01

Tabelle 3.1.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Escherichia spp.	1642	36,98
- davon Escherichia coli	1641	36,96
-- davon 3MRGN	118	2,66
-- davon 4MRGN	2	0,05
- davon andere Escherichia spp.*	1	0,02
Enterococcus spp.	998	22,48
- davon Enterococcus faecium	581	13,09
-- davon VRE	124	2,79
-- davon LRE	3	0,07
- davon Enterococcus faecalis	403	9,08
-- davon VRE	3	0,07
-- davon LRE	1	0,02
- davon Enterococcus avium	2	0,05
- davon Enterococcus durans	1	0,02
- davon andere Enterococcus spp.*	11	0,25
Pseudomonas spp.	658	14,82
- davon Pseudomonas aeruginosa	654	14,73
-- davon 3MRGN	23	0,52
-- davon 4MRGN	21	0,47
- davon Pseudomonas putida	1	0,02
- davon andere Pseudomonas spp.*	3	0,07
Klebsiella spp.	657	14,80
- davon Klebsiella pneumoniae	471	10,61
-- davon 3MRGN	23	0,52
-- davon 4MRGN	11	0,25
- davon Klebsiella oxytoca	159	3,58
-- davon 3MRGN	2	0,05

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
- davon andere Klebsiella spp.*	27	0,61
Proteus spp.	382	8,60
- davon Proteus mirabilis	354	7,97
-- davon 3MRGN	5	0,11
- davon Proteus vulgaris	16	0,36
- davon Proteus penneri	1	0,02
- davon andere Proteus spp.*	11	0,25

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: INTERDISZIPLINÄR (BETTEN >= 400))

Art der Infektion	ZVK-assoziierte Blutstrominfektion (nur B1, B2)
Anzahl Infektionen insgesamt	3365
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	3365
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	3636

Tabelle 3.2.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Erregergruppe		
Bacterium	3136	93,19
Fungus	249	7,40
Gram-Charakteristika		
Gram-positive	2391	71,05
Gram-negative	823	24,46
MRE		
MRSA	34	1,01
VRE	145	4,31
3MRGN	38	1,13
4MRGN	14	0,42
Kommensale	1202	35,72

Tabelle 3.2.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Staphylococcus spp.	1462	43,45
- davon Staphylococcus epidermidis	914	27,16
- davon Staphylococcus aureus	335	9,96
-- davon MRSA	34	1,01
- davon Staphylococcus hominis	100	2,97
- davon Staphylococcus haemolyticus	81	2,41
- davon andere Staphylococcus spp.*	32	0,95
Enterococcus spp.	853	25,35
- davon Enterococcus faecium	632	18,78
-- davon VRE	142	4,22
-- davon LRE	1	0,03
- davon Enterococcus faecalis	206	6,12
-- davon VRE	3	0,09
- davon Enterococcus avium	6	0,18
- davon Enterococcus casseliflavus	2	0,06
- davon andere Enterococcus spp.*	7	0,21
Candida spp.	247	7,34
- davon Candida albicans	134	3,98
- davon Candida glabrata	58	1,72
- davon Candida tropicalis	15	0,45
- davon Candida parapsilosis	13	0,39
- davon andere Candida spp.*	27	0,80
Klebsiella spp.	234	6,95
- davon Klebsiella pneumoniae	165	4,90
-- davon 3MRGN	13	0,39
-- davon 4MRGN	6	0,18
- davon Klebsiella oxytoca	55	1,63

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
-- davon 3MRGN	1	0,03
- davon andere Klebsiella spp.*	14	0,42
Escherichia spp.	214	6,36
- davon Escherichia coli	214	6,36
-- davon 3MRGN	10	0,30

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: INTERDISZIPLINÄR (BETTEN >= 400))

Art der Infektion	INV-assoz. Atemwegsinfektion
Anzahl Infektionen insgesamt	6306
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	5337
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	7109

Tabelle 3.3.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Erregergruppe		
Bacterium	5193	82,35
Fungus	344	5,46
Virus	12	0,19
Gram-Charakteristika		
Gram-positive	1542	24,45
Gram-negative	4263	67,60
MRE		
MRSA	100	1,59
VRE	21	0,33
3MRGN	239	3,79
4MRGN	74	1,17

Tabelle 3.3.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Staphylococcus spp.	1255	19,90
- davon Staphylococcus aureus	1202	19,06
-- davon MRSA	100	1,59
- davon Staphylococcus epidermidis	20	0,32
- davon Staphylococcus haemolyticus	9	0,14
- davon Staphylococcus auricularis	1	0,02
- davon andere Staphylococcus spp.*	23	0,36
Klebsiella spp.	1246	19,76
- davon Klebsiella pneumoniae	805	12,77
-- davon 3MRGN	52	0,82
-- davon 4MRGN	10	0,16
- davon Klebsiella oxytoca	391	6,20
-- davon 3MRGN	6	0,10
-- davon 4MRGN	1	0,02
- davon andere Klebsiella spp.*	50	0,79
Escherichia spp.	881	13,97
- davon Escherichia coli	879	13,94
-- davon 3MRGN	65	1,03
-- davon 4MRGN	3	0,05
- davon andere Escherichia spp.*	2	0,03
Pseudomonas spp.	802	12,72
- davon Pseudomonas aeruginosa	793	12,58
-- davon 3MRGN	87	1,38
-- davon 4MRGN	41	0,65
- davon Pseudomonas fluorescens	2	0,03
- davon Pseudomonas putida	2	0,03
- davon Pseudomonas mendocina	1	0,02

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
- davon andere Pseudomonas spp.*	4	0,06
Enterobacter spp.	625	9,91
- davon Enterobacter cloacae	347	5,50
-- davon 3MRGN	8	0,13
-- davon 4MRGN	2	0,03
- davon Enterobacter aerogenes	174	2,76
-- davon 3MRGN	6	0,10
-- davon 4MRGN	4	0,06
- davon Enterobacter hormaechei	6	0,10
-- davon 3MRGN	1	0,02
- davon Enterobacter asburiae	4	0,06
- davon andere Enterobacter spp.*	94	1,49

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: INTERDISZIPLINÄR (BETTEN >= 400))

Art der Infektion	NIV-assoz. Atemwegsinfektion
Anzahl Infektionen insgesamt	225
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	140
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	177

Tabelle 3.4.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Erregergruppe		
Bacterium	129	57,33
Fungus	14	6,22
Virus	3	1,33
Gram-Charakteristika		
Gram-positive	36	16,00
Gram-negative	104	46,22
MRE		
MRSA	4	1,78
VRE	0	0,00
3MRGN	5	2,22
4MRGN	3	1,33

Tabelle 3.4.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Klebsiella spp.	30	13,33
- davon Klebsiella pneumoniae	21	9,33
-- davon 3MRGN	1	0,44
- davon Klebsiella oxytoca	7	3,11
- davon andere Klebsiella spp.*	2	0,89
Staphylococcus spp.	28	12,44
- davon Staphylococcus aureus	24	10,67
-- davon MRSA	4	1,78
- davon Staphylococcus haemolyticus	3	1,33
- davon andere Staphylococcus spp.*	1	0,44
Escherichia spp.	22	9,78
- davon Escherichia coli	22	9,78
-- davon 3MRGN	1	0,44
Enterobacter spp.	19	8,44
- davon Enterobacter cloacae	10	4,44
- davon Enterobacter aerogenes	5	2,22
- davon andere Enterobacter spp.*	4	1,78
Pseudomonas spp.	14	6,22
- davon Pseudomonas aeruginosa	14	6,22
-- davon 4MRGN	2	0,89
-- davon 3MRGN	2	0,89

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: INTERDISZIPLINÄR (BETTEN >= 400))

Art der Infektion	Ventrikeldrainage-assoziierte Meningitis
Anzahl Infektionen insgesamt	277
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	247
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	257

Tabelle 3.5.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Erregergruppe		
Bacterium	246	88,81
Fungus	0	0,00
Virus	1	0,36
Gram-Charakteristika		
Gram-positive	166	59,93
Gram-negative	81	29,24
MRE		
MRSA	1	0,36
VRE	3	1,08
3MRGN	5	1,81
4MRGN	1	0,36
Kommensale	128	46,21

Tabelle 3.5.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Staphylococcus spp.	135	48,74
- davon Staphylococcus epidermidis	88	31,77
- davon Staphylococcus aureus	17	6,14
-- davon MRSA	1	0,36
- davon Staphylococcus hominis	15	5,42
- davon Staphylococcus haemolyticus	9	3,25
- davon andere Staphylococcus spp.*	6	2,17
Klebsiella spp.	29	10,47
- davon Klebsiella pneumoniae	20	7,22
-- davon 3MRGN	3	1,08
- davon Klebsiella oxytoca	6	2,17
- davon andere Klebsiella spp.*	3	1,08
Enterococcus spp.	20	7,22
- davon Enterococcus faecium	13	4,69
-- davon VRE	3	1,08
- davon Enterococcus faecalis	7	2,53
Enterobacter spp.	17	6,14
- davon Enterobacter cloacae	10	3,61
- davon Enterobacter aerogenes	5	1,81
-- davon 3MRGN	1	0,36
- davon andere Enterobacter spp.*	2	0,72
Escherichia spp.	11	3,97
- davon Escherichia coli	11	3,97
-- davon 3MRGN	1	0,36

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: INTERDISZIPLINÄR (BETTEN >= 400))

Art der Infektion	ECLS-assoziierte Blutstrominfektion (nur B1, B2)
Anzahl Infektionen insgesamt	100
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	100
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	116

Tabelle 3.6.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Erregergruppe		
Bacterium	89	89,00
Fungus	12	12,00
Gram-Charakteristika		
Gram-positive	79	79,00
Gram-negative	15	15,00
MRE		
MRSA	0	0,00
VRE	9	9,00
3MRGN	0	0,00
4MRGN	0	0,00
Kommensale	32	32,00

Tabelle 3.6.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Enterococcus spp.	46	46,00
- davon Enterococcus faecium	27	27,00
-- davon VRE	7	7,00
- davon Enterococcus faecalis	20	20,00
-- davon VRE	2	2,00
Staphylococcus spp.	38	38,00
- davon Staphylococcus epidermidis	30	30,00
- davon Staphylococcus aureus	7	7,00
- davon Staphylococcus capitis	1	1,00
- davon Staphylococcus cohnii	1	1,00
Candida spp.	11	11,00
- davon Candida albicans	8	8,00
- davon Candida parapsilosis	2	2,00
- davon Candida glabrata	1	1,00
Klebsiella spp.	4	4,00
- davon Klebsiella oxytoca	3	3,00
- davon Klebsiella pneumoniae	1	1,00
Escherichia spp.	4	4,00
- davon Escherichia coli	4	4,00

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus