KISS Krankenhaus-Infektions-Surveillance-System



Nationales Referenzzentrum für Surveillance von nosokomialen Infektionen

Infektionssurveillance im Modul ITS-KISS
Referenzdaten

Berechnungszeitraum: Januar 2019 bis Dezember 2023

Erstellungsdatum: 6.März 2024

Nationales Referenzzentrum für Surveillance von nosokomialen Infektionen Hindenburgdamm 27

Tel.: 030 / 450-577-612 Fax: 030 / 450-577-920 www.nrz-hygiene.de Version: 6.März 2024

12203 Berlin



KISS Krankenhaus-Infektions-Surveillance-System Infektionssurveillance im Modul ITS-KISS

Berechnungszeitraum: Januar 2019 bis Dezember 2023

Referenzdaten - Device-Anwendungsraten und Device-assoziierte Infektionsraten

Art der Station: **INTERNISTISCH Anzahl Patienten:** Mittlere Liegedauer: 482.386 4.02

Anzahl Stationen: 158 Anzahl Patiententage: 1.938.483

Tabelle 1.1: Device-Anwendungsraten über alle Stationen dieser Art (Elemente mit weniger als 5 Stationen werden nicht angezeigt)

Device-Anwendungsrate

Device	Anzahl Stationen	Anzahl Patiententage	Anzahl Devicetage	gepoolter arithm. Mittelwert	25%- Quantil (Q1)	Median	75%- Quantil (Q3)
HWK	158	1.938.483	1.545.296	79,72	71,87	80,15	86,45
ZVK	158	1.938.483	1.253.712	64,67	48,77	62,59	75,47
Beatmung INV	158	1.938.483	768.915	39,67	26,40	35,80	47,95
Beatmung NIV (a)	66	668.914	73.532	10,99	5,90	9,97	15,76
Ventrikeldrainage (a)	12	61.333	2.246	3,66	1,22	1,85	3,12
ECLS (a)	26	240.114	20.016	8,34	2,18	3,73	7,16

Tabelle 1.2: Umfang der Blutkulturdiagnostik über alle Stationen dieser Art, nur Stationen, die mindestens einmalig im Zeitraum Angaben zu Blutkulturen gemacht haben

Blutkultur-Abnahmefrequenz (Anz. Blutkulturen / 1000 Patiententage)

Anzahl Stationen	Anzahl Patiententage	Anzahl Blutkulturen	gepoolter arithm. Mittelwert	25%- Quantil (Q1)	Median	75%- Quantil (Q3)
136	1.797.661	515.791	286,92	187,43	271,81	337,37

Tabelle 2: Device-assoziierte Infektionsraten über alle Stationen dieser Art (Elemente mit weniger als 5 Stationen werden nicht angezeigt)

Device-assoziierte Infektionsrate

Art der Infektion	Anzahl Stationen	Anzahl Device- ass. Infektionen	gepoolter arithm. Mittelwert	25%-Quantil (Q1)	Median	75%-Quantil (Q3)
HWK-assoziierte Harnweginfektion	158	1.548	1,00	0,22	0,73	1,46
ZVK-assoziierte Blutstrominfektion (nur B1, B2)	158	1.989	1,59	0,36	1,18	2,31
INV-assoz. Atemweginfektion	158	1.961	2,55	0,63	1,81	3,63
-INV-assoz. Pneumonie	158	1.511	1,97	0,49	1,35	2,67
-INV-assoz. Bronchitis	158	450	0,59	0,00	0,00	0,69
NIV-assoz. Atemweginfektion (a)	66	104	1,41	0,00	0,57	2,06
-NIV-assoz. Pneumonie (a)	66	81	1,10	0,00	0,00	1,31
-NIV-assoz. Bronchitis (a)	66	23	0,31	0,00	0,00	0,00
Ventrikeldrainage-assoziierte Meningitis (a)	12	3	1,34	0,00	0,00	0,00
ECLS-assoziierte Blutstrominfektion (nur B1, B2) (a)	26	32	1,60	0,00	0,00	1,90

(a) - als optionale Surveillancekomponente



Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: INTERNISTISCH)

Art der Infektion HWK-assoziierte Harnweginfektion

Anzahl Infektionen insgesamt1548Anzahl Infektionen mit Erregerangabe1548Erregerangaben im Rahmen von Infektionen1695

Tabelle 3.1.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Erregergruppe		
Bacterium	1548	100,00
Gram-Charakteristika		
Gram-positive	412	26,61
Gram-negative	1207	77,97
MRE		
MRSA	1	0,06
VRE	64	4,13
3MRGN	86	5,56
4MRGN	14	0,90

Tabelle 3.1.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Escherichia spp.	508	32,82
- davon Escherichia coli	508	32,82
davon 3MRGN	44	2,84
Enterococcus spp.	380	24,55
- davon Enterococcus faecium	233	15,05
davon VRE	59	3,81
- davon Enterococcus faecalis	144	9,30
davon VRE	5	0,32
- davon Enterococcus gallinarum	1	0,06
- davon Enterococcus avium	1	0,06
- davon andere Enterococcus spp.*	1	0,06
Pseudomonas spp.	259	16,73
- davon Pseudomonas aeruginosa	252	16,28
davon 3MRGN	16	1,03
davon 4MRGN	7	0,45
- davon Pseudomonas fluorescens	2	0,13
- davon Pseudomonas oryzihabitans	1	0,06
- davon andere Pseudomonas spp.*	4	0,26
Klebsiella spp.	245	15,83
- davon Klebsiella pneumoniae	189	12,21
davon 3MRGN	11	0,71
davon 4MRGN	3	0,19
- davon Klebsiella oxytoca	50	3,23
davon 4MRGN	1	0,06
davon 3MRGN	1	0,06
- davon andere Klebsiella spp.*	6	0,39
Proteus spp.	101	6,52



Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
- davon Proteus mirabilis	97	6,27
davon 3MRGN	4	0,26
- davon Proteus vulgaris	3	0,19
- davon andere Proteus spp.*	1	0,06

^{*}Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus



Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: INTERNISTISCH)

Art der Infektion ZVK-assoziierte Blutstrominfektion (nur B1, B2)

Anzahl Infektionen insgesamt1989Anzahl Infektionen mit Erregerangabe1989Erregerangaben im Rahmen von Infektionen2153

Tabelle 3.2.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

Anzahl Pro 100 Infektionen Erregergruppe Bacterium 1845 92,76 Fungus 159 7,99 **Gram-Charakteristika** Gram-positive 1490 74,91 Gram-negative 399 20,06 MRE MRSA 23 1,16 VRE 172 8,65 25 3MRGN 1,26 12 4MRGN 0,60 653 32,83 Kommensale

Tabelle 3.2.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Staphylococcus spp.	795	39,97
- davon Staphylococcus epidermidis	452	22,72
- davon Staphylococcus aureus	183	9,20
davon MRSA	23	1,16
- davon Staphylococcus hominis	53	2,66
- davon Staphylococcus haemolyticus	51	2,56
- davon andere Staphylococcus spp.*	56	2,82
Enterococcus spp.	666	33,48
- davon Enterococcus faecium	544	27,35
davon VRE	161	8,09
- davon Enterococcus faecalis	113	5,68
davon VRE	11	0,55
- davon Enterococcus gallinarum	6	0,30
- davon Enterococcus casseliflavus	3	0,15
Candida spp.	159	7,99
- davon Candida albicans	77	3,87
- davon Candida glabrata	52	2,61
- davon Candida parapsilosis	12	0,60
- davon Candida tropicalis	7	0,35
- davon andere Candida spp.*	11	0,55
Klebsiella spp.	124	6,23
- davon Klebsiella pneumoniae	84	4,22
davon 3MRGN	6	0,30
davon 4MRGN	5	0,25
- davon Klebsiella oxytoca	39	1,96
davon 3MRGN	1	0,05
- davon andere Klebsiella spp.*	1	0,05



Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Escherichia spp.	77	3,87
- davon Escherichia coli	76	3,82
davon 3MRGN	8	0,40
davon 4MRGN	2	0,10
- davon Escherichia hermannii	1	0,05

^{*}Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus



Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: INTERNISTISCH)

Art der Infektion INV-assoz. Atemweginfektion

Anzahl Infektionen insgesamt1961Anzahl Infektionen mit Erregerangabe1577Erregerangaben im Rahmen von Infektionen2015

Tabelle 3.3.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

America Dres 400 infectation and			
Anzani	Pro 100 Infektionen		
1513	77,15		
105	5,35		
15	0,76		
361	18,41		
1293	65,94		
35	1,78		
9	0,46		
95	4,84		
44	2,24		
	105 15 361 1293 35 9		

Tabelle 3.3.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Klebsiella spp.	385	19,63
- davon Klebsiella pneumoniae	254	12,95
davon 3MRGN	18	0,92
davon 4MRGN	6	0,31
- davon Klebsiella oxytoca	115	5,86
davon 3MRGN	2	0,10
- davon andere Klebsiella spp.*	16	0,82
Pseudomonas spp.	297	15,15
- davon Pseudomonas aeruginosa	291	14,84
davon 3MRGN	36	1,84
davon 4MRGN	23	1,17
- davon Pseudomonas fluorescens	3	0,15
- davon Pseudomonas putida	2	0,10
- davon Pseudomonas oryzihabitans	1	0,05
Staphylococcus spp.	293	14,94
- davon Staphylococcus aureus	280	14,28
davon MRSA	35	1,78
- davon Staphylococcus epidermidis	6	0,31
- davon Staphylococcus hominis	3	0,15
- davon Staphylococcus warneri	3	0,15
- davon andere Staphylococcus spp.*	1	0,05
Escherichia spp.	234	11,93
- davon Escherichia coli	231	11,78
davon 3MRGN	27	1,38
davon 4MRGN	1	0,05
- davon Escherichia fergusonii	2	0,10
- davon andere Escherichia spp.*	1	0,05



Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Enterobacter spp.	174	8,87
- davon Enterobacter cloacae	82	4,18
davon 3MRGN	4	0,20
- davon Enterobacter aerogenes	62	3,16
davon 4MRGN	5	0,25
davon 3MRGN	2	0,10
- davon Enterobacter hormaechei	4	0,20
- davon Enterobacter gergoviae	1	0,05
- davon andere Enterobacter spp.*	25	1,27

^{*}Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus